

## SOLICITUD DE ESTUDIO GENÉTICO

### 1 Identificación del paciente y datos de la muestra

Paciente  
Nombre y Apellidos

---

Fecha de nacimiento

Sexo  Femenino  Masculino

Sangre  
Sangre periférica entre 3 y 5 ml en tubos EDTA

Saliva  
Uso de kit indicado de saliva

ADN\*

Mínimo 5 µg y concentración > 50 ng/mL para ADN procedente de sangre, saliva y tejido (fresco o congelado).  
Mínimo 10 µg y concentración > 50 ng/mL para ADN procedente de tejido en parafina.

**\*Especificar el origen del ADN:**  
Sangre, sangre congelada, saliva, tejido fresco, tejido congelado, tejido en parafina, etc. :

Fecha extracción muestra

Escriba aquí la referencia que aparece en el tubo de la muestra:

### 2 Datos del facultativo solicitante

Nombre y apellidos

---

Centro médico-hospitalario

---

Dirección

Ciudad

---

Provincia

Código Postal

País

---

Teléfono

Email

### 3 Personas autorizadas para recibir el informe

Nombre y apellidos

---

Correo electrónico  
para recibir los resultados

---

Nombre y apellidos

---

Correo electrónico  
para recibir los resultados

*En cumplimiento de la legislación española y europea en protección de datos de carácter personal, sólo se enviarán los resultados a las personas debidamente identificadas en la hoja de solicitud.*

### 4 Datos para la factura

Hospital / Institución	Paciente particular	Transferencia bancaria	Tarjeta de crédito
Nombre Hospital o paciente	Forma de pago:	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
Dirección		NIF / DNI	
Ciudad	Código Postal	País	
Teléfono	Correo electrónico donde Health in Code debe enviar la factura		
Persona de contacto			

## 5 Estudio genético solicitado

### Paneles NGS

#### Enfermedades musculares de causa genética

S-202008553	EMCG estructurales congénitas	78 genes	S-202008642	Panel de rabdomiolisis e hiperC-Kemia	47 genes
S-202008554	EMCG estruc. de la infancia y edad adulta	64 genes	S-202008624	Miotonías no distróficas	10 genes
S-202008552	Distrofias musculares de cinturas	43 genes	S-202008629	Panel ampliado de miastenia congénita	29 genes
S-202008620	Miopatías distales	37 genes	S-202008634	Panel básico de miastenia congénita	6 genes
S-202008621	Miopatías miofibrilares y con acúmulos proteicos	20 genes	S-202008626	Panel ampliado de artrogriposis	86 genes
S-201602251	Distrofias musculares tipo Emery-Dreifuss	7 genes	S-202008665	Pterigium múltiple / Síndrome de Escobar y relacionados	15 genes
S-201602252	Estudio de distrofinopatías - Secuenciación NGS	[DMD]	S-202008527	Artrogriposis distales	11 genes
S-202008623	Miopatías relacionadas con el metabolismo del glucógeno	21 genes	S-202008374	Panel general de EMCG	330 genes
S-201804629	Miopatías relacionadas con el metabolismo de lípidos	15 genes	S-202008656	Panel general de miopatías metabólicas	109 genes
S-202008622	Miopatías mitocondriales de causa nuclear	69 genes	S-202008374	Panel general de EMCG estructurales	330 genes

#### Neuropatías hereditarias

S-202008627	Panel ampliado de CMT	77 genes	S-202008641	Neuropatía sensitivo-autonómica	28 genes
S-202008637	CMT - desmielinizante/intermedio	37 genes	S-202008638	Neuropatía metabólica	24 genes
S-202008636	CMT - axonal/intermedio	57 genes	S-202008640	Neuropatía óptica	13 genes
S-202008630	CMT - panel básico	4 genes	S-202008657	Panel general de neuropatías	150 genes
S-202008639	Neuropatía motora/atrofia muscular espinal SMN1-negativa	38 genes			

#### Paraparesia espástica hereditaria

S-202008662	Paraparesia espástica pura	36 genes	S-202008635	Panel básico de paraparesia espástica	8 genes
S-202008661	Paraparesia espástica complicada	90 genes	S-202008658	Panel general de paraparesia espástica	107 genes

#### Ataxia

S-202008530	Ataxia espinocerebelosa	84 genes	S-202008528	Ataxia episódica	8 genes
S-202008531	Ataxia espinocerebelosa AD	24 genes	S-202008533	Ataxia y atrofia/hipoplasia ponto-cerebelosa	31 genes
S-202008532	Ataxia espinocerebelosa AR	65 genes	S-202008375	Panel general de ataxia	262 genes

#### Demencias

S-202008557	Enfermedad de Alzheimer	5 genes	S-202008565	Esclerosis lateral amiotrófica - demencia frontotemporal	15 genes
S-202008631	Panel básico de demencia frontotemporal	11 genes	S-202008644	Panel general de demencia	49 genes
S-202008628	Panel ampliado de demencia frontotemporal	22 genes			

Los datos personales facilitados en el presente formulario quedan sometidos a la legislación de protección de datos, y en concreto a la Ley Orgánica 3/2018, de 5 de diciembre, de Protección de Datos Personales y garantía de los derechos digitales (LOPDGDD) y la Ley 14/2007, de 3 de julio, de Investigación Biomédica. Estos datos que proporcione serán incorporados a ficheros cuyo responsable es Health in Code. La finalidad es el análisis y diagnóstico de enfermedades genéticas. Por su parte, las categorías de datos son los que se recogen en el presente cuestionario a lo que se añadirá el resultado de los mismos. El tratamiento de sus datos personales responde exclusivamente a los fines establecidos anteriormente. Estando legitimada por el consentimiento que expresamente se ha otorgado al aceptar estas condiciones. Sus datos serán conservados durante el tiempo que dure la relación establecida con la entidad y mientras los datos mantengan su labor asistencial, o hasta que ejercite sus derechos de cancelación o supresión. Dichos datos no serán transferidos a terceras personas sin el correspondiente consentimiento previo, ni fuera de los casos expresamente previstos en la legislación de protección de datos. Igualmente, se le informa de que podrá ejercitar los derechos de acceso, rectificación, cancelación o supresión, oposición, a la limitación de su tratamiento o a la portabilidad de datos dirigiéndose a Health in Code, a través de una comunicación escrita a Edificio O Fortín, As Xubias, s/n., Campus de Oza, 15006 A Coruña, España, referencia: "Protección de Datos", adjuntando una copia de su DNI o pasaporte. También tiene usted derecho a presentar su reclamación ante la Agencia Española de Protección de Datos.

## Esclerosis Lateral Amiotrófica [ELA]

S-202008633	Panel básico de esclerosis lateral amiotrófica	3 genes	S-202008651	Panel general de esclerosis lateral amiotrófica y esclerosis lateral primaria	38 genes
S-202008565	Esclerosis lateral amiotrófica - demencia frontotemporal	15 genes			

## Trastornos del Movimiento

S-202008659	Panel general de trastornos del movimiento	152 genes	S-202008660	Panel general de trastornos del movimiento de origen metabólico	32 genes
S-202008645	Panel general de distonía	48 genes	S-201805729	Corea y síndromes Huntington-like	19 genes
S-202008546	Distonía aislada	8 genes	S-202008643	Panel general de calcificación de ganglios basales	13 genes
S-202008547	Distonía mioclónica	2 genes	S-201805369	Síndrome de Aicardi-Goutières	7 genes
S-202008550	Distonía-parkinsonismo	5 genes	S-202008625	Neurodegeneración con acúmulo de hierro cerebral (NBIAS)	14 genes
S-202008548	Distonía paroxística con otra discinesia	4 genes	S-201804729	Trastornos del movimiento paroxísticos	18 genes
S-202008559	Enfermedad de Parkinson y trastornos relacionados	25 genes	S-202008276	Lipofuscinosis neuronal ceroida	11 genes
S-202008632	Panel básico de enfermedad de Parkinson	8 genes			
S-202008663	Parkinsonismo de inicio adolescente	8 genes			

## Leucodistrofias y Otras Leucoencefalopatías Hereditarias

S-202008607	Leucodistrofia relacionada con POLR3	5 genes	S-202008606	Leucodistrofia metacromática	3 genes
S-202008560	Enfermedad de Pelizaeus-Merzbacher (PMD) y tipo PMD (PMLD)	5 genes	S-202008610	Leucodistrofias asociadas a trastornos lisosomales	22 genes
S-202008679	Tricotodistrofia / Síndrome de Tay	5 genes	S-202008611	Leucodistrofias asociadas a trastornos peroxisomales	19 genes
S-202008613	Leucodistrofias con calcificaciones intracraneales	24 genes	S-202008608	Leucodistrofias asociadas a trastornos del metabolismo energético y mitocondrial	16 genes
S-202008615	Leucodistrofias con rarefacción de sustancia blanca o lesiones quísticas en RMN	29 genes	S-202008609	Leucodistrofias asociadas a trastornos del metabolismo intermediario	17 genes
S-202008667	Síndrome de ataxia infantil con hipomielinización del sistema nervioso central y sustancia blanca evanescente [CACH/VWM]	5 genes	S-202008616	Leucoencefalopatías vasculares	12 genes
S-202008605	Leucodistrofia megalencefálica con quistes subcorticales	2 genes	S-202008654	Panel general de leucodistrofias hipomielinizantes	40 genes
S-202008612	Leucodistrofias con afectación de médula espinal en RMN	5 genes	S-202008653	Panel general de leucodistrofias causadas por errores innatos del metabolismo	73 genes
S-202008614	Leucodistrofias con picos anormales en espectroscopia de resonancia magnética	4 genes	S-202008655	Panel general de leucodistrofias y otras leucoencefalopatías hereditarias	142 genes

## Enfermedades Cerebrovasculares

S-202008524	Accidente cerebrovascular y migraña	5 genes	S-202008556	Enfermedad cerebrovascular microangiopática	8 genes
S-202008536	Cavernomatosis cerebral	3 genes	S-202008558	Enfermedad de Moyamoya	8 genes
S-201906329	CADASIL [gen NOTCH3]	1 gen	S-202008648	Panel general de enfermedades cerebrovasculares	36 genes

Los datos personales facilitados en el presente formulario quedan sometidos a la legislación de protección de datos, y en concreto a la Ley Orgánica 3/2018, de 5 de diciembre, de Protección de Datos Personales y garantía de los derechos digitales (LOPDGDD) y la Ley 14/2007, de 3 de julio, de Investigación Biomédica. Estos datos que proporcione serán incorporados a ficheros cuyo responsable es Health in Code. La finalidad es el análisis y diagnóstico de enfermedades genéticas. Por su parte, las categorías de datos son los que se recogen en el presente cuestionario a lo que se añadirá el resultado de los mismos. El tratamiento de sus datos personales responde exclusivamente a los fines establecidos anteriormente. Estando legitimada por el consentimiento que expresamente se ha otorgado al aceptar estas condiciones. Sus datos serán conservados durante el tiempo que dure la relación establecida con la entidad y mientras los datos mantengan su labor asistencial, o hasta que ejercite sus derechos de cancelación o supresión. Dichos datos no serán transferidos a terceras personas sin el correspondiente consentimiento previo, ni fuera de los casos expresamente previstos en la legislación de protección de datos. Igualmente, se le informa de que podrá ejercitar los derechos de acceso, rectificación, cancelación o supresión, oposición, a la limitación de su tratamiento o a la portabilidad de datos dirigiéndose a Health in Code, a través de una comunicación escrita a Edificio O Fortín, As Xubias, s/n., Campus de Oza, 15006 A Coruña, España, referencia: "Protección de Datos", adjuntando una copia de su DNI o pasaporte. También tiene usted derecho a presentar su reclamación ante la Agencia Española de Protección de Datos.

## Enfermedades Mitocondriales

<b>S-202008538</b> Déficit específico en complejos de la cadena respiratoria mitocondrial / OXPHOS	94 genes	<b>S-202008539</b> Déficit primario de coenzima Q	13 genes
<b>S-202008540</b> Depleción de ADNmt	18 genes	<b>S-201805389</b> Genoma mitocondrial	37 genes
<b>S-202008674</b> Síndrome de Leigh de causa nuclear	70 genes	<b>S-202008652</b> Panel general de genes mitocondriales nucleares	400 genes
<b>S-201906357</b> Déficit de piruvato deshidrogenasa (PDH)	12 genes	<b>S-201805390</b> Genoma mitocondrial asociado a otro panel NGS	

## Epilepsia

<b>S-202008555</b> Encefalopatía epiléptica neonatal y de inicio temprano	90 genes	<b>S-202008650</b> Panel general de epilepsia mioclónica	43 genes
<b>S-202008671</b> Síndrome de Dravet y convulsiones febriles plus	16 genes	<b>S-202008563</b> Epilepsia mioclónica juvenil	7 genes
<b>S-202008676</b> Síndrome de Rett y Rett-like	41 genes	<b>S-202008564</b> Epilepsia mioclónica progresiva	36 genes
<b>S-202008666</b> Síndrome de Angelman-like	12 genes	<b>S-202008602</b> Hiperekplexia y otros trastornos paroxísticos relacionados con epilepsia	9 genes
<b>S-201907249</b> Esclerosis tuberosa	2 genes	<b>S-202008647</b> Panel general de encefalopatía epiléptica	124 genes
<b>S-202008561</b> Epilepsia de la infancia con crisis de ausencia	5 genes	<b>S-202008649</b> Panel general de epilepsia	271 genes
<b>S-202008562</b> Epilepsia focal y otras formas de epilepsia familiar	33 genes		

## Malformaciones del SNC

<b>S-202008537</b> Defectos del cierre del tubo neural	5 genes	<b>S-202008601</b> Heterotopia nodular periventricular	9 genes
<b>S-202008526</b> Alteraciones de la línea media/regionalización	121 genes	<b>S-202008567</b> Heterotopia en banda [gen DCX]	1 gen
<b>S-202008604</b> Holoprosencefalia	14 genes	<b>S-202008664</b> Polimicrogiria	24 genes
<b>S-202008566</b> Esquisencefalia	4 genes	<b>S-202008618</b> Megalencefalia-polimicrogiria y megalencefalia displásica	7 genes
<b>S-202008525</b> Agenesia del cuerpo calloso	106 genes	<b>S-202008619</b> Microcefalia	88 genes
<b>S-202008681</b> Trastornos de la migración/ displasias corticales	57 genes	<b>S-202008603</b> Hipoplasia Pontocerebelosa	18 genes
<b>S-202008617</b> Lisencefalia	25 genes		

## Trastornos del Neurodesarrollo y Síndromes Genéticos relacionados

<b>S-202008543</b> Discapacidad intelectual y/o autismo	865 genes	<b>S-202008670</b> Síndrome de Cornelia de Lange	10 genes
<b>S-202008542</b> Discapacidad intelectual	798 genes	<b>S-202008672</b> Síndrome de Joubert	34 genes
<b>S-202008534</b> Autismo	196 genes	<b>S-202008673</b> Síndrome de Kabuki	2 genes
<b>S-202008544</b> Discapacidad intelectual y/o autismo con epilepsia	117 genes	<b>S-202008675</b> Síndrome de Meckel	13 genes
<b>S-202008535</b> BAFopatías (Síndrome de Coffin-Siris y síndrome de Nicolaidis-Baraitser)	10 genes	<b>S-201906395</b> Síndromes de RASopatías	26 genes
<b>S-201907249</b> Esclerosis tuberosa	2 genes	<b>S-202008677</b> Síndrome de Rubinstein-Taybi	2 genes
<b>S-201805369</b> Síndrome de Aicardi-Goutières	7 genes	<b>S-202008678</b> Síndrome de Seckel	9 genes
<b>S-202008669</b> Síndrome de Cockayne	5 genes	<b>S-202008680</b> Síndrome de Sotos	3 genes

Los datos personales facilitados en el presente formulario quedan sometidos a la legislación de protección de datos, y en concreto a la Ley Orgánica 3/2018, de 5 de diciembre, de Protección de Datos Personales y garantía de los derechos digitales (LOPDGDD) y la Ley 14/2007, de 3 de julio, de Investigación Biomédica. Estos datos que proporcione serán incorporados a ficheros cuyo responsable es Health in Code. La finalidad es el análisis y diagnóstico de enfermedades genéticas. Por su parte, las categorías de datos son los que se recogen en el presente cuestionario a lo que se añadirá el resultado de los mismos. El tratamiento de sus datos personales responde exclusivamente a los fines establecidos anteriormente. Estando legitimada por el consentimiento que expresamente se ha otorgado al aceptar estas condiciones. Sus datos serán conservados durante el tiempo que dure la relación establecida con la entidad y mientras los datos mantengan su labor asistencial, o hasta que ejercite sus derechos de cancelación o supresión. Dichos datos no serán transferidos a terceras personas sin el correspondiente consentimiento previo, ni fuera de los casos expresamente previstos en la legislación de protección de datos. Igualmente, se le informa de que podrá ejercitar los derechos de acceso, rectificación, cancelación o supresión, oposición, a la limitación de su tratamiento o a la portabilidad de datos dirigiéndose a Health in Code, a través de una comunicación escrita a Edificio O Fortín, As Xubias, s/n., Campus de Oza, 15006 A Coruña, España, referencia: "Protección de Datos", adjuntando una copia de su DNI o pasaporte. También tiene usted derecho a presentar su reclamación ante la Agencia Española de Protección de Datos.

S-202008723 FXS/FXTAS/FXPOI [expansiones *FMR1*]

S-202009944 Síndrome de Prader-Willi/Angelman [MS-MLPA de la región genómica PWS/AS]

S-202008666 Síndrome de Angelman-like [12 genes]

S-202009939 Síndrome de Rett [secuenciación Sanger gen *MECP2*]

S-202009941 Síndrome de Rett [estudio de dosis del gen *MECP2* mediante MLPA]

S-202008676 Síndrome de Rett y Rett-like [41 genes]

S-202009943 Síndrome de Beckwith-Wiedemann/Silver-Russell [MS-MLPA región 11p15]

S-202009942 Síndrome de Silver-Russell [MS-MLPA cromosoma 7]

S-202008668 Síndrome de Beckwith-Wiedemann-like [8 genes]

S-202009940 Síndrome de CHARGE [secuenciación del gen *CHD7*]

S-202009388 Síndrome KBG [secuenciación Sanger gen *ANKRD11*]

## Expansiones nucleotídicas

S-202008703 Distrofia muscular oculofaríngea [expansiones *PABPN1*]

S-201804669 Distrofia miotónica tipo 1 [expansiones *DMPK*]

S-202008721 Distrofia miotónica tipo 2 [expansiones *CNBP*]

S-201601805 Ataxia de Friedreich [expansiones *FXN*]

S-202008193 SCAs por expansiones-Panel 1 [SCA1, SCA2, SCA3, SCA6, SCA7]

S-202008722 SCAs por expansiones-Panel 2 [SCA10, SCA12, SCA17]

S-202008724 DRPLA [expansiones *ATN1*]

S-202008723 FXS/FXTAS/FXPOI [expansiones *FMR1*]

S-201805509 ELA/DFT relacionadas con C9orf72 [expansiones *C9orf72*]

S-202008725 Enfermedad de Kennedy [expansiones *AR*]

S-202008726 Enfermedad de Huntington [expansiones *HTT*]

S-202008727 Enfermedad de Huntington-like tipo 2 [expansiones *JPH3*]

S-202008728 Enfermedad de Unverricht-Lundborg [expansiones *CSTB*]

## MLPA

S-201602259 Distrofinopatía [dosis DMD mediante MLPA]

S-201703888 CMT1A/HNPP [dosis región *PMP22* mediante MLPA]

S-201906211 Atrofia muscular espinal [dosis *SMN1-SMN2* mediante MLPA]

## Otras pruebas genéticas

S-202109974 Secuenciación individualizada de genes

S-202109975 Secuenciación masiva NextGenDx®

S-202109976 Secuenciación masiva con CNVs

*Exoma completo:*

S-202110014 Exoma completo - sólo secuenciación (fastq)

S-202110013 Exoma completo - anotación de variantes

S-202110336 Exoma completo - con herramienta de informe

S-202110015 Exoma completo - con informe clínico

S-202109977 Exoma dirigido

Gen/genes:

S-202110133 Exoma clínico frío

S-202109983 MLPA y MLPA metilación:

Gen/genes:

*SNP array:*

S-201601485 Caso índice

S-201702726 Estudio familiar o confirmación de CNVs

*CGH array:*

S-202008036 Array 37K prenatal

S-202109987 Array 60K postnatal

S-202109988 Array 180K postnatal

S-201906609 Análisis in vitro de variantes de splicing

S-202109998 Segregación de variantes / Estudios familiares

Variantes:

Otros servicios:

Los datos personales facilitados en el presente formulario quedan sometidos a la legislación de protección de datos, y en concreto a la Ley Orgánica 3/2018, de 5 de diciembre, de Protección de Datos Personales y garantía de los derechos digitales (LOPDGDD) y la Ley 14/2007, de 3 de julio, de Investigación Biomédica. Estos datos que proporcione serán incorporados a ficheros cuyo responsable es Health in Code. La finalidad es el análisis y diagnóstico de enfermedades genéticas. Por su parte, las categorías de datos son los que se recogen en el presente cuestionario a lo que se añadirá el resultado de los mismos. El tratamiento de sus datos personales responde exclusivamente a los fines establecidos anteriormente. Estando legitimada por el consentimiento que expresamente se ha otorgado al aceptar estas condiciones. Sus datos serán conservados durante el tiempo que dure la relación establecida con la entidad y mientras los datos mantengan su labor asistencial, o hasta que ejercite sus derechos de cancelación o supresión. Dichos datos no serán transferidos a terceras personas sin el correspondiente consentimiento previo, ni fuera de los casos expresamente previstos en la legislación de protección de datos. Igualmente, se le informa de que podrá ejercitar los derechos de acceso, rectificación, cancelación o supresión, oposición, a la limitación de su tratamiento o a la portabilidad de datos dirigiéndose a Health in Code, a través de una comunicación escrita a Edificio O Fortín, As Xubias, s/n., Campus de Oza, 15006 A Coruña, España, referencia: "Protección de Datos", adjuntando una copia de su DNI o pasaporte. También tiene usted derecho a presentar su reclamación ante la Agencia Española de Protección de Datos.

## 6 Datos clínicos

*Es imprescindible aportar aquella información clínica considerada relevante en relación al estudio solicitado, para la correcta interpretación de los hallazgos genéticos. Se recomienda adjuntar un informe clínico.*

## 7 Declaración de existencia del consentimiento informado

El paciente identificado en esta solicitud (o su representante legal) conoce los datos incluidos en la misma y autoriza la realización de este estudio genético.

Es posible obtener información inesperada en el proceso de análisis de la muestra, para lo cual el paciente identificado en esta solicitud (o su representante legal) ha decidido conocerla.

El paciente identificado en esta solicitud (o su representante legal), autoriza, para que guarde la actual muestra biológica para posteriores estudios y/o confirmaciones.

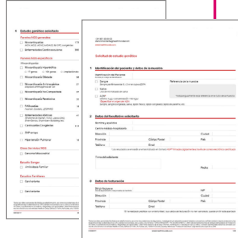
El paciente identificado en esta solicitud (o su representante legal) da su consentimiento, para que pueda utilizar la actual muestra biológica para finalidades de investigación aprobadas por el comité ético correspondiente, siempre manteniendo el anonimato del paciente.

Firma del facultativo

Fecha

Los datos personales facilitados en el presente formulario quedan sometidos a la legislación de protección de datos, y en concreto a la Ley Orgánica 3/2018, de 5 de diciembre, de Protección de Datos Personales y garantía de los derechos digitales (LOPDGDD) y la Ley 14/2007, de 3 de julio, de Investigación Biomédica. Estos datos que proporcione serán incorporados a ficheros cuyo responsable es Health in Code. La finalidad es el análisis y diagnóstico de enfermedades genéticas. Por su parte, las categorías de datos son los que se recogen en el presente cuestionario a lo que se añadirá el resultado de los mismos. El tratamiento de sus datos personales responde exclusivamente a los fines establecidos anteriormente. Estando legitimada por el consentimiento que expresamente se ha otorgado al aceptar estas condiciones. Sus datos serán conservados durante el tiempo que dure la relación establecida con la entidad y mientras los datos mantengan su labor asistencial, o hasta que ejercite sus derechos de cancelación o supresión. Dichos datos no serán transferidos a terceras personas sin el correspondiente consentimiento previo, ni fuera de los casos expresamente previstos en la legislación de protección de datos. Igualmente, se le informa de que podrá ejercitar los derechos de acceso, rectificación, cancelación o supresión, oposición, a la limitación de su tratamiento o a la portabilidad de datos dirigiéndose a Health in Code, a través de una comunicación escrita a Edificio O Fortín, As Xubias, s/n., Campus de Oza, 15006 A Coruña, España, referencia: "Protección de Datos", adjuntando una copia de su DNI o pasaporte. También tiene usted derecho a presentar su reclamación ante la Agencia Española de Protección de Datos.

## 8 Requerimientos y envío de la muestra



### SOLICITUD DE ESTUDIO

La hoja de solicitud, debidamente cumplimentada debe acompañar a la muestra para la realización del estudio genético.

Descárguelo en [healthincode.com](http://healthincode.com) o solicítelo en [atencionalcliente@healthincode.com](mailto:atencionalcliente@healthincode.com)

### RECOGIDA DE MUESTRAS

#### Sangre Periférica\*



3 a 5 ml en tubos con EDTA

#### ADN Genómico\*



NGS > 5-10 µg (A260/280 = 1.8-1.9)  
Sanger > 1 µg (A260/280 = 1.8-1.9)

#### Saliva



Uso del kit indicado para su recogida

Solicítelo en [atencionalcliente@healthincode.com](mailto:atencionalcliente@healthincode.com)

*\*Para plazos de envío superiores a 48 h se recomienda el envío a temperatura controlada (4-8 °C).*

### EMPAQUETADO DE MUESTRAS

Cada recipiente primario (tubo de muestra\*\*) se colocará en un envase secundario (bolsa de plástico sellada o tubo Falcon) que contendrá suficiente material absorbente. Estos recipientes secundarios irán sujetos dentro de un paquete o caja rígida con material amortiguador apropiado.

*\*\*El tubo de muestra debe venir perfectamente identificado con los datos o referencia del paciente.*

### ENVÍO DE MUESTRAS

Programe el envío para que la recepción de la muestra se realice de lunes a jueves de 8:00-17:00 horas.

**HEALTH IN CODE S. L.**

Edificio O Fortín, As Xubias s/n. Campus de Oza. 15006 A Coruña, España

Tel: +34 881 600 003

*Si lo desea, puede solicitar el servicio de recogida de muestras en [atencionalcliente@healthincode.com](mailto:atencionalcliente@healthincode.com)*



### RESULTADO

Recibirá nuestro informe vía:

- Portal de Clientes Health in Code
- Correo electrónico certificado

**NUESTROS ESTUDIOS SIEMPRE INCLUYEN LA POSIBILIDAD DE ASESORAMIENTO PRETEST Y POSTEST**

[atencionalcliente@healthincode.com](mailto:atencionalcliente@healthincode.com) | [consultaclinica@healthincode.com](mailto:consultaclinica@healthincode.com) | +34 881 600 003 | [www.healthincode.com](http://www.healthincode.com)