



# Instrucciones de uso

## Imegen<sup>®</sup> SARS-CoV-2 Plus RNase P



Ref. IMG-376

Fabricado por:

**HEALTH IN CODE, S.L.**

Calle de la Travesía s/n, 15E Base 5, Valencia 46024, España  
+34 963 212 340 - info@healthincode.com

healthincode.com

Código: HIC-PT-KIT 03-F-03 V.02

healthincode

---

Health in Code, S.L. le garantiza que todos sus productos están libres de defectos, tanto en los materiales empleados como en su proceso de fabricación. Esta garantía se hace extensible hasta la fecha de caducidad, siempre que se observen las condiciones de conservación especificadas en este manual.

**Nuestros productos están diseñados para diagnóstico *in vitro*.** Health in Code, S.L. no le ofrece ninguna otra garantía, expresa o implícita, que se extienda más allá del funcionamiento correcto de los componentes de este kit. La única obligación de Health in Code, S.L., respecto de las garantías precedentes, será la de reemplazar los productos, o bien devolver el precio de la compra de los mismos, a voluntad del cliente, siempre y cuando se pruebe la existencia de un defecto en los materiales, o bien en la elaboración de sus productos. Health in Code, S.L. no será responsable de ningún daño, directo o indirecto, que resulte en pérdidas económicas o en daños que pudieran producirse por el uso de este producto por parte del comprador o usuario.

Todos los productos comercializados por Health in Code, S.L. son sometidos a un riguroso control de calidad. El kit **Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P** ha superado todas las pruebas de validación internas, que garantizan la fiabilidad y reproducibilidad de cada lote fabricado.

Para cualquier consulta sobre las aplicaciones de este producto o sobre sus protocolos, puede contactar con nuestro Departamento Técnico:

 +34 963 212 340

 [tech.support@healthincode.com](mailto:tech.support@healthincode.com)

*Imegen® es una marca registrada de Health in Code, S.L. en España*

#### Modificaciones de las Instrucciones de Uso (IFU)

Versión 04	DIC 2023	Revisión y actualización del apartado "3. Características técnicas".
Versión 03	NOV 2022	Cambio de dirección del fabricante: Health in Code S.L., Calle de la Travesía s/n, 15E Base 5, Valencia 46024, España.
Versión 02	SEP 2022	Cambio de la identificación del fabricante: de Imegen a HEALTH IN CODE S.L.

# índice

---

<b>01</b>	<b>Información general</b>	<b>4</b>
<b>02</b>	<b>Uso previsto</b>	<b>5</b>
<b>03</b>	<b>Características técnicas</b>	<b>6</b>
<b>04</b>	<b>Preparación de la muestra</b>	<b>9</b>
<b>05</b>	<b>Advertencias y precauciones</b>	<b>10</b>
<b>06</b>	<b>Contenido y condiciones de almacenamiento del kit</b>	<b>11</b>
<b>07</b>	<b>Equipos, reactivos y materiales necesarios que no se suministran</b>	<b>12</b>
<b>08</b>	<b>Protocolo de ensayo</b>	<b>13</b>
	08.1   Preparación de las reacciones de amplificación	13
	08.2   Configuración del programa de PCR a tiempo real	14
<b>09</b>	<b>Análisis de los resultados</b>	<b>16</b>
	09.1   Interpretación de resultados	16
<b>10</b>	<b>Troubleshooting</b>	<b>19</b>
<b>11</b>	<b>Limitaciones</b>	<b>20</b>
	10.1   Equipos	20
	10.2   Reactivos	20
	10.3   Estabilidad del producto	20

# 01 Información general

El SARS-CoV-2 es un nuevo betacoronavirus desconocido hasta la fecha en humanos y detectado durante un brote de enfermedades respiratorias, incluida la neumonía atípica, que comenzó a mediados de diciembre de 2019 en la ciudad de Wuhan en China.

El nuevo coronavirus emergente es similar a algunos de los betacoronavirus detectados en murciélagos, pero es distinto del SARS-CoV y el MERS-CoV.

El genoma del nuevo CoV emergente consiste en un solo ARN de cadena positiva que tiene aproximadamente 30k de longitud. La organización general del genoma del CoV emergente es similar a la de otros coronavirus. Su genoma ha sido recientemente secuenciado y codifica los marcos de lectura abiertos (ORF) comunes a todos los betacoronavirus:

- ↘ Gen ORF1ab que codifica la mayoría de proteínas enzimáticas
- ↘ Gen de la glucoproteína de la superficie de la espiga (S)
- ↘ Gen que codifica la proteína de la envoltura pequeña (E)
- ↘ Gen que codifica la proteína de la matriz (M)
- ↘ Gen de la proteína nucleocápside (N)
- ↘ Gen que codifica varias proteínas no estructurales.

Entre las principales prioridades para asegurar la salud pública está la elección de la tecnología *gold standard* para su diagnóstico. La detección basada en RT-PCR en tiempo real ha sido previamente demostrada en laboratorios de salud pública durante emergencias sanitarias.

## Referencias

- > Shu, Y., McCauley, J. (2017) *GISAID: Global initiative on sharing all influenza data – from vision to reality* *EuroSurveillance*, 22(13) doi:10.2807/1560-7917.ES.2017.22.13.30494 PMID: PMC5388101 Web: [www.gisaid.org](http://www.gisaid.org)
- > Corman VM, et al. *Detection of 2019 novel coronavirus (2019-nCoV) by real-time RT-PCR.* *Euro Surveillance* 2020; 25: 2000045. Web: [www.eurosurveillance.org](http://www.eurosurveillance.org)
- > *Procedimiento de actuación frente a casos de infección por el nuevo coronavirus (SARS-CoV-2).* Web: [www.mscbs.gob.es](http://www.mscbs.gob.es)

## 02 Uso previsto

De acuerdo con la guía técnica elaborada por la Organización Mundial de la Salud para la detección de SARS-CoV-2, el kit **Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P** permite detectar 3 dianas específicas en genes comunes a todos los betacoronavirus:

- **Gen ORF1ab** que codifica la mayoría de las proteínas enzimáticas
- **Gen S** que codifica la glucoproteína de la superficie de la espiga
- **Gen E** que codifica la proteína del envoltorio

Asimismo, el kit incluye como control positivo endógeno un sistema de detección del gen *RNase P* que codifica la ribonucleasa P humana.

Este ensayo permite llevar a cabo la retrotranscripción (RT) del ARN vírico y detección mediante PCR a tiempo real (qPCR) de los genes diana, mediante una RT-qPCR en un paso único, utilizando una combinación de oligonucleótidos y sondas de hidrólisis fluorescentes multiplexadas (FAM, VIC, Cy5 y TexasRed).

Los resultados obtenidos en este ensayo permiten confirmar el diagnóstico del paciente. Este ensayo no es óptimo para el estudio de betacoronavirus SARS y MERS.

**Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P** puede emplearse para uso en diagnóstico *in vitro* y está dirigido a profesionales del sector de la virología y la biología molecular.

## 03 Características técnicas

El kit Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P permite la detección de SARS-CoV-2 en muestras de ARN previamente purificadas.

- ◇ **Tipo de muestra:** ARN extraído de hisopos nasofaríngeos, lavados broncoalveolares, esputos, así como cualquier otra muestra respiratoria.
- ◇ **Cantidad de muestra:** 6 µL ARN
- ◇ **Inclusividad:** 100% frente a los genomas descritos GISAID (31.07.2020)
- ◇ **Especificidad:** 100% frente a SARS y MERS
- ◇ **Tiempo de ensayo (RT-qPCR):** 1h 20 min
- ◇ 4 dianas específicas detectadas en 1 mix de amplificación:

Fluoróforos	Mix 1
FAM	ORF1ab
VIC	S
Cy5	E
TexasRed	RNase P

### ➤ Validación *In silico*

Los sistemas de amplificación específicos han sido diseñados sobre los 4.115 genomas de SARS-CoV-2 depositados en la base de datos de secuencias virales comisariada por la Iniciativa mundial para compartir todos los datos sobre la influenza (GISAID).

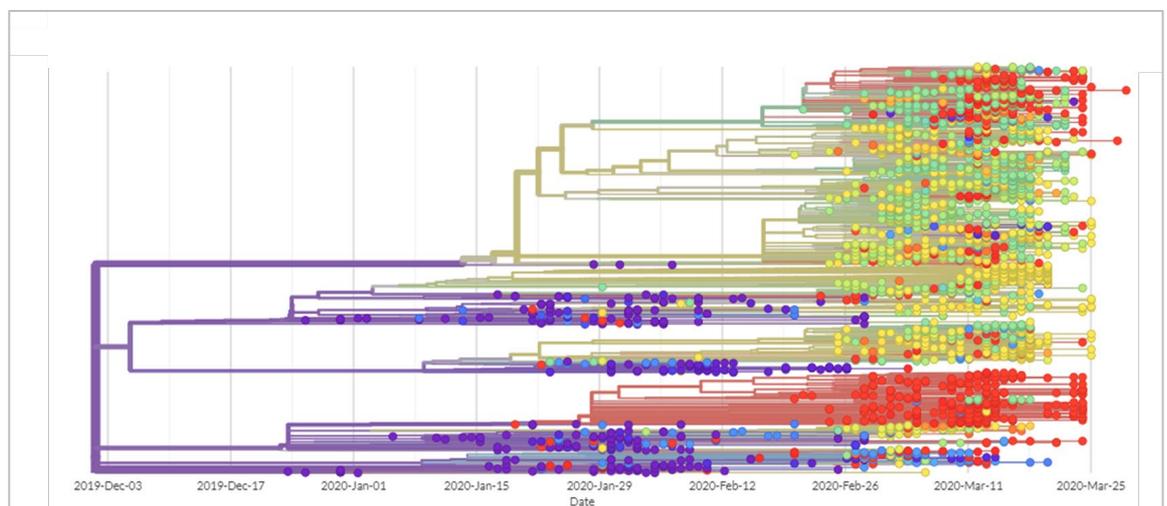


Figura 1. Gráfico de los 4115 genomas analizados entre Feb 2020 y Julio 2020

➤ **Inclusividad**

Los diseños de los genes S, ORF1ab y E se realizaron empleando herramientas bioinformáticas a partir de la información genómica existente en la base de datos GISAID, donde se muestran todas las variantes genéticas clasificadas por el país donde se detectaron, región y huésped. El diseño de oligonucleótidos y sondas de hidrólisis permite detectar todas las variantes genómicas identificadas hasta el 31.07.2020.

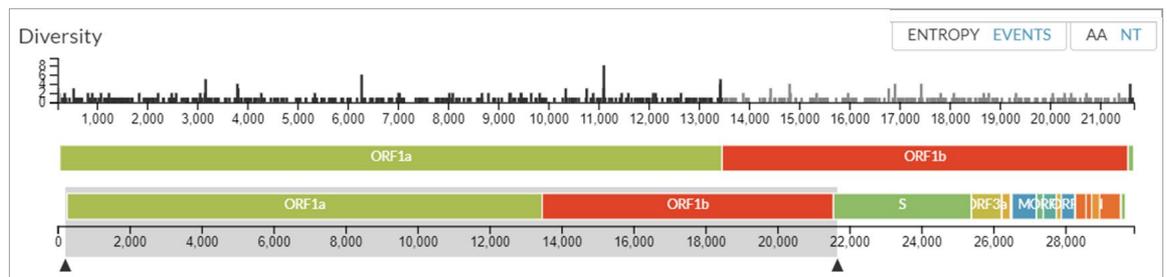


Figura 2. Representación de las variantes genéticas en el gen ORF1ab (nucleótidos 266–21555). El sistema Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P permite detectar el gen ORF1ab en todas las cepas del betacoronavirus identificadas (SARS-CoV-2, 4.115 genomas). Posición de las variantes (EVENTS) en nucleótidos (NT) relativa al genoma de referencia de SARS-CoV-2 (Wuhan-Hu-1, GenBank MN908947).

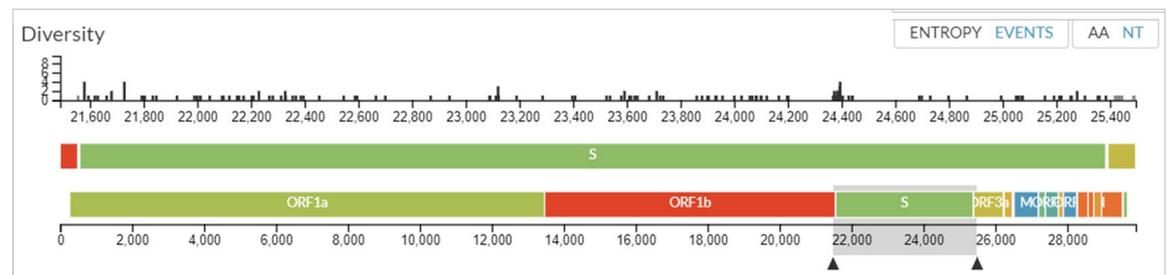


Figura 3. Representación de las variantes genéticas en el gen S (nucleótidos 21563–25384). El sistema Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P permite detectar el gen S en todas las cepas del betacoronavirus identificadas (SARS-CoV-2, 4.115 genomas).

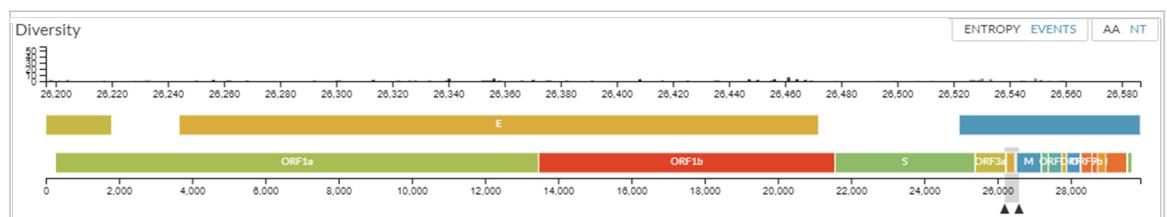


Figura 4. Representación de las variantes genéticas en el gen E (nucleótidos 26245–26472). El sistema Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P permite detectar el gen E en todas las cepas del betacoronavirus identificadas (SARS-CoV-2, 4.115 genomas).

➤ **Especificidad**

Las secuencias del genoma sugieren la presencia de un virus estrechamente relacionado con los miembros de una especie viral denominada CoV relacionado con el síndrome respiratorio agudo severo (SARS), una especie definida por el agente del brote 2002/03 de SARS en humanos. Por ello, se ha evaluado la especificidad de cada sistema para confirmar su especificidad analítica mediante BLAST en las bases de datos públicas NCBI y GISAID.

Los sistemas de detección ORF1ab y S del kit **Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P** muestran similitud parcial con betacoronavirus de murciélago, pero no con SARS o MERS

humanos, lo cual confirma la especificidad de los sistemas por el nuevo betacoronavirus SARS-CoV-2. El sistema de amplificación del gen E, permite la detección de betacoronavirus SARS-CoV-2 además de SARS-CoV-1 y otros betacoronavirus descritos.

### ➤ Validación analítica

El kit ha sido validado a partir de muestras de hisopos nasofaríngeos, fluidos de lavados broncoalveolares y esputos de pacientes diagnosticados mediante un kit de diagnóstico comercial. Además, se han incluido en la validación un control del genoma completo de SARS-CoV-2 (*Twist*), así como vectores sintéticos certificados (*GenScript*) que contienen las dianas de interés. Este vector está incluido en el kit y se recomienda su uso como control positivo para verificar el funcionamiento correcto de la PCR. La validación completa proporciona un método de diagnóstico robusto y específico.

## 04 Preparación de la muestra

A continuación, destacamos algunos de los requisitos más importantes para la toma, preparación y envío de la muestra. Para más información, revise el procedimiento de actuación frente a casos de infección por el nuevo coronavirus SARS-CoV-2 del Ministerio de Sanidad y el Instituto de Saludo Carlos III de España.

- **Tipo de muestra:** esputo, lavado broncoalveolar del tracto respiratorio inferior o hisopo nasofaríngeo y orofaríngeo tomados de modo simultáneo del tracto respiratorio superior.
- **Toma de muestra:** el tomador de la muestra debe utilizar un respirador N96 o equivalente y guantes. Se recomienda registrar el tipo de muestra y hora de la toma.
- **Preparación de la muestra para su transporte:** se utilizará siempre un triple envase revisando la estanqueidad de cada uno de ellos para evitar derrames durante el transporte de las muestras. Realice el transporte a 4°C.
- **Almacenamiento de la muestra de forma previa al transporte:** si no es posible realizar el envío de la muestra al laboratorio de análisis antes de 72h desde su toma, le recomendamos que almacene la muestra a -80°C y la transporte en hielo seco cuando sea posible.
- **Extracción del ARN viral:** utilice un método de extracción de ARN viral adecuado, bien sea un método manual o automatizado. Se recomienda limpiar a fondo las superficies y equipos de trabajo para eliminar nucleasas (RNase) de forma previa a iniciar el protocolo de extracción. Dependiendo del método de extracción, el rendimiento y pureza del ARN extraído puede diferir. Como método de extracción automatizado, se han utilizado con éxito el *MagNA Pure Compact System* con el correspondiente *MagNA Pure Compact Nucleic Acid Isolation Kit* (Roche).

## 05 Advertencias y precauciones

- ◇ Se recomienda seguir estrictamente las instrucciones de este manual, especialmente en cuanto a las condiciones de manipulación y almacenamiento de los reactivos.
- ◇ No pipetear con la boca.
- ◇ No fumar, comer, beber ni aplicarse cosméticos en las zonas donde se manipulan kits y muestras.
- ◇ Se debe proteger debidamente cualquier afección cutánea, así como cortes, abrasiones y otras lesiones de la piel.
- ◇ No verter los restos de reactivos a la red de agua potable. Se recomienda utilizar los contenedores de residuos establecidos por la normativa legal y gestionar su tratamiento a través de un gestor de residuos autorizado.
- ◇ En caso de un derrame accidental de alguno de los reactivos, evitar el contacto con la piel, los ojos y las membranas mucosas y limpiar con abundante agua.
- ◇ Las hojas de datos de seguridad (MSDS) de todos los componentes peligrosos que contiene este kit están disponibles bajo petición.
- ◇ Este producto requiere la manipulación de muestras y materiales de origen humano. Se recomienda considerar todos los materiales de procedencia humana como potencialmente infecciosos y manipularlos conforme a la norma de la OSHA sobre Bioseguridad de nivel 2 de los patógenos de transmisión sanguínea o se deben utilizar otras prácticas pertinentes de bioseguridad para los materiales que contienen o se sospecha que puedan contener agentes infecciosos.
- ◇ Los reactivos incluidos en este kit no son tóxicos, explosivos, infecciosos, radiactivos, magnéticos, corrosivos ni causantes de contaminación ambiental biológica.
- ◇ Este kit ha sido validado con unos equipos y en unas condiciones específicas que podrían variar sensiblemente en otros laboratorios. Se recomienda, por tanto, que cada laboratorio realice una verificación del cumplimiento de las especificaciones técnicas del fabricante cuando vaya a utilizar por primera vez el kit.

## 06

# Contenido y condiciones de almacenamiento del kit

Este kit contiene los reactivos necesarios para llevar a cabo 96 reacciones de RT-qPCR con cada *Master Mix* específico:

- **SARS-CoV-2 Plus Master Mix:** contiene los oligonucleótidos y sondas de hidrólisis para llevar a cabo la amplificación del sistema específico gen ORF1ab (FAM), gen S (VIC), gen E (Cy5) y del control endógeno humano, RNase P (*TexasRed*).
- **RT-PCR Master Mix:** *Master Mix* de PCR con los nucleótidos, MgCl<sub>2</sub>, enzima de PCR a tiempo real y *buffer* necesarios para llevar a cabo la PCR a tiempo real.
- **RTasa:** enzima retrotranscriptasa para llevar a cabo la retrotranscripción de ARN a ADN complementario (cDNA).
- **Control Positivo:** control positivo con las secuencias diana para la amplificación del gen S, gen E, gen *ORF1ab* y gen *RNase P*.

Reactivos	Color del soporte	Cantidad	Conservación
<b>SARS-CoV-2 Plus Master Mix</b>	Tapa roja	915 µl	-20°C
<b>RT-PCR Master Mix</b>	Tapa blanca	385 µl	-20°C
<b>RTasa</b>	Tapa amarilla	48 µl	-20°C
<b>Control Positivo</b>	Tapa verde	60 µl	-20°C

Tabla 1. Componentes del kit Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P

# 07 Equipos, reactivos y materiales que no se suministran

## Equipos:

- Termociclador de PCR a tiempo real que detecte los fluoróforos FAM, VIC, Cy5 y *TexasRed*
- Micropipetas de 10 µL, 20 µL y 200 µL
- *Vortex*
- Centrífuga

## Reactivos:

- Kit de extracción de ARN viral/total
- Agua libre de nucleasas

## Materiales:

- Placas ópticas de 96 pocillos o tubos ópticos de 0.2 ml
- Material fungible óptico compatible con el termociclador de PCR a tiempo real
- Puntas de pipetas con filtro (10 µL, 20 µL y 200 µL)
- Tubos estériles de 1.5 ml
- Guantes de látex
- Material de limpieza de superficies como *RNAse away*
- Material necesario para la extracción de ácidos nucleicos

# 08 Protocolo de ensayo

## 08.1 | Preparación de las reacciones de amplificación

- 01 Descongelar a temperatura ambiente todos los reactivos del kit y el ARN de las muestras y mantener en hielo una vez descongeladas.
- 02 Agitar cada uno de los reactivos en *vortex* y mantener en frío.
- 03 Preparar premáster de PCR como se especifica a continuación empleando un tubo de 1.5 ml:

Reactivo	Cantidad por reacción
SARS-CoV-2 Master Mix Plus	9.5 µL
RTase	0.5 µL
RT-PCR Master Mix	4 µL

**NOTA:** Para estimar la cantidad de reactivos necesaria en función del número de muestras y controles que se analicen de forma simultánea por run, recomendamos realizar los cálculos considerando una reacción más o bien incrementando un 10% el volumen de cada reactivo.

- 04 Mezclar los reactivos pipeteando varias veces, dar un spin a los *mixes* de PCR y dispensar 14 µL en los correspondientes pocillos del material fungible óptico.
- 05 Una vez dispensados los mixes de PCR añadir a los pocillos correspondientes:
  - ◇ 6 µL de las muestras de ARN
  - ◇ 6 µL del control positivo
  - ◇ 6 µL de agua libre de nucleasas (control negativo de PCR)

**NOTA:** Se recomienda añadir un control negativo de PCR por *master mix*, para descartar la contaminación de los reactivos y también un control positivo por *master mix*, para asegurar el correcto funcionamiento de la reacción de PCR.

- 06 Colocar los tubos o placas en el termociclador de PCR a tiempo real y configurar el programa de amplificación tal y como se indica en el siguiente apartado.

## 08.2 | Configuración del programa PCR a tiempo real

### Fluoróforos de las sondas de hidrólisis:

Sonda	Emisor	Genotipado	Quencher
ORFlab	FAM	Gen ORFlab	MGB
E	Cy5	Gen E	BHQ2 (None)
S	VIC	Gen S	MGB
RNase P	TexasRed	Gen RNase P (Humano)	BHQ2 (None)

Tabla 2. Información de las sondas de hidrólisis

### Programa RT-PCR:

#### QuantStudio 5 Real-time PCR System (Applied Biosystems):

- ◇ Tipo de experimento: *Quantitation-Comparative Ct*
- ◇ Velocidad de rampa: *Standard*
- ◇ Referencia basal ROX™: *NONE*

Configurar el programa de PCR según el programa óptimo<sup>(1)</sup> que se indica a continuación:

Etapa	Nº de Ciclos	Temperatura	Tiempo
Retrotranscripción	1	48°C	15 minutos
Activación enzimática	1	95°C	10 minutos
PCR Desnaturalización, anillamiento y extensión	40	95°C	5 segundos
		58°C	15 segundos
		68°C	15 segundos <sup>(2)</sup>

Tabla 3. Programa de PCR óptimo para el QuantStudio 5 Real-Time PCR Cycler

(1) En caso de disponer de otros modelos de termocicladores, consultar capítulo 11 Limitaciones.

(2) Adquisición de la fluorescencia

#### 7500 FAST Real-time PCR System (Applied Biosystems):

- ◇ Tipo de experimento: *Quantitation-Comparative Ct*
- ◇ Velocidad de rampa: *Standard*
- ◇ Referencia basal ROX™: *NONE*

Configurar el programa de PCR según el programa óptimo<sup>(1)</sup> que se indica a continuación:

Etapa	Nº de Ciclos	Temperatura	Tiempo
Retrotranscripción	1	48°C	15 minutos
Activación enzimática	1	95°C	10 minutos
PCR Desnaturalización, anillamiento y extensión	40	95°C	5 segundos
		58°C	15 segundos
		68°C	30 segundos <sup>(2)</sup>

Tabla 4. Programa de PCR óptimo para el equipo 7500 FAST Real-time PCR system

(1) En caso de disponer de otros modelos de termocicladores, consultar capítulo 11 Limitaciones.

(2) Adquisición de la fluorescencia

# 09 Análisis de los resultados

Para un correcto análisis de los resultados se recomienda seguir las siguientes indicaciones:

- Comprobar que en los controles negativos de PCR no haya amplificación en ninguno de los canales de fluorescencia (FAM, VIC, Cy5, *TexasRed*). En caso de detectarse amplificación en un control negativo, se recomienda repetir el ensayo para descartar que se haya producido una contaminación accidental.
- Comprobar que en los controles positivos haya amplificación de todas las dianas de SARS-CoV-2.
- Comprobar que en todas las muestras analizadas existe amplificación del gen endógeno humano, *RNase P*. La ausencia de amplificación puede indicar una baja calidad del ARN en la muestra e invalidará la obtención de conclusiones.
- Para analizar las muestras hay que emplear el *software* específico del termociclador de PCR a tiempo real utilizado. Se recomienda emplear el *Auto Baseline* y el *Auto Threshold* en el *setting* de análisis.

Los valores de los parámetros se basan en los controles positivos y negativos. Si se ve una señal anormal, el valor se puede ajustar consultando el manual de cada fabricante de PCR a tiempo real.

## 09.1 | Interpretación de resultados

A continuación, se muestran los posibles resultados obtenidos con el kit **Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P**.

01 Verifique el valor de Ct del resultado obtenido de cada muestra.

Ensayo E, S, ORF1ab	Resultados SARS-CoV-2
<b>Ct &lt; 38</b>	Positivo (+)
<b>38 ≤ Ct &lt; 40</b>	Inconcluyente
<b>Ct = Indeterminado</b>	Negativo (-)

Tabla 5. Valores de cut-off de SARS-CoV-2 Plus RNase P

02 Interprete los resultados de cada muestra de siguiendo las siguientes recomendaciones:

ORFlab	S	E	RNase P	Estado	Resultado	Acción
-	-	-	Ct < 37	Válido	SARS-CoV-2 Negativo	Si el paciente tiene síntomas, considere analizar otros virus respiratorios.
Dos o más dianas SARS-CoV-2 positivas			Any Ct value	Válido	SARS-CoV-2 Positivo	Informar de los resultados al sistema sanitario.
-	-	+	Any Ct value	Válido	Betacoronavirus Positivo	Informar de los resultados al sistema sanitario. Considere analizar otros virus respiratorios.
Sólo una diana SARS-CoV-2 positiva			Any Ct value	Válido	SARS-CoV-2 Inconcluyente	Repita la prueba. Si el resultado repetido permanece inconcluyente, se recomienda realizar una prueba adicional de confirmación.
Dianas SARS-CoV-2 inconcluyentes en ausencia de dianas positivas			Any Ct value	Válido		
-	-	-	Ct ≥ 37	Inválido	NA	Repita la prueba. Si el resultado repetido permanece inválido, se recomienda realizar una prueba adicional de confirmación

Tabla 6. Interpretación de los resultados de SARS-CoV-2 Plus RNase P. Any Ct value, cualquier valor de Ct

A continuación, incluimos algunos ejemplos de cómo se visualizan algunos resultados empleando el kit Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P:

### CONTROL NEGATIVO

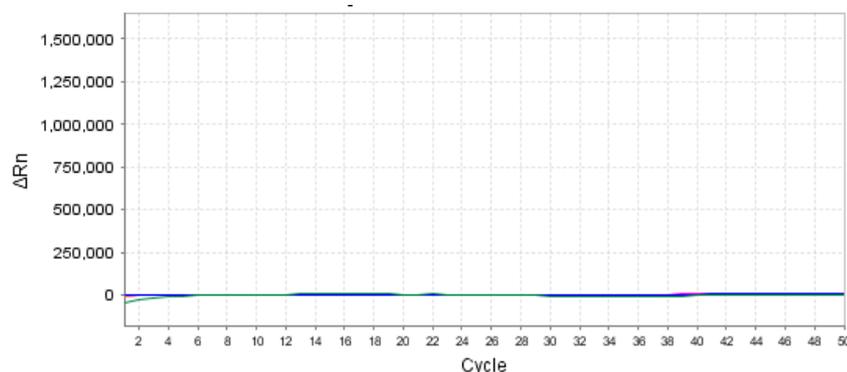


Figura 5. No se observa señal de amplificación en ningún canal de fluorescencia

CONTROL POSITIVO

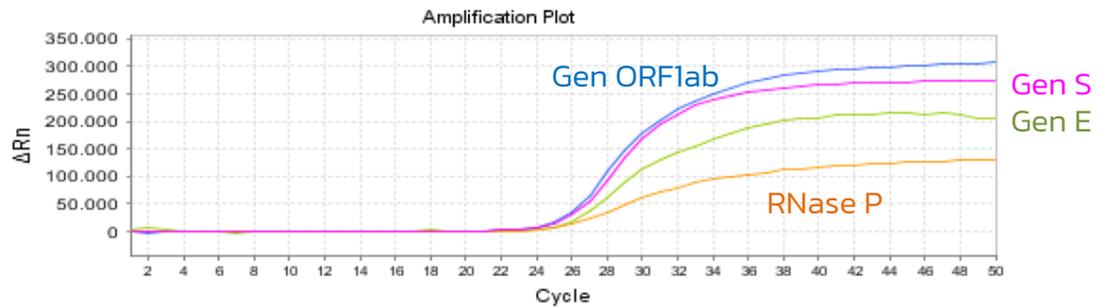


Figura 6. Resultado obtenido a partir del control positivo. La amplificación del gen específico ORF1ab (FAM) se muestra en azul, la del gen específico S (VIC) en rosa, y la del gen específico E (Cy5) en verde y se detecta amplificación del control positivo interno RNase P (TexasRed), en naranja.

Ejemplo muestra negativa COVID-19

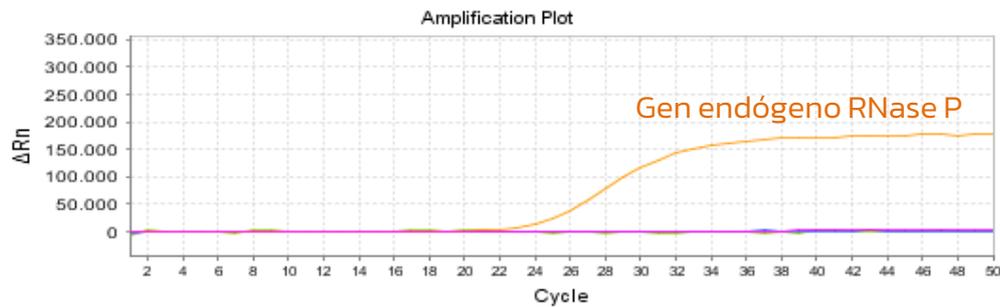


Figura 7. Resultado obtenido a partir de una muestra SARS-CoV-2 negativa. La amplificación del gen endógeno humano RNase P (TexasRed) se muestra en naranja.

Ejemplo muestra positiva COVID-19

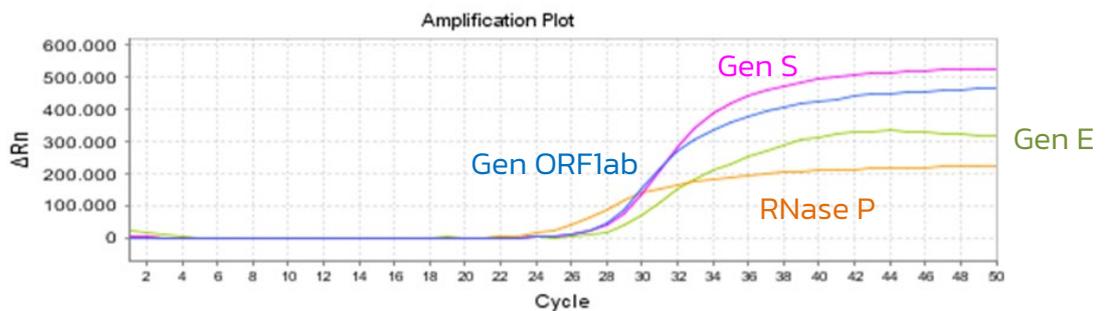


Figura 8. Resultado obtenido a partir de una muestra positiva. La amplificación del gen específico ORF1ab (FAM) se muestra en azul, del gen S en rosa (VIC), y del gen E (Cy5) en verde y se detecta amplificación del control positivo interno RNase P (TexasRed), en naranja.

Conclusión: Presencia de COVID-19 por la detección de 2 o más dianas.



Figura 9. Imagen del Kit Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P

# 10 Troubleshooting

La siguiente tabla representa los resultados que podrían obtenerse usando los controles positivos, negativos y las muestras de ARN viral. En caso de que se obtenga un resultado inesperado, la interpretación del resultado y la razón más probable de tal resultado se recogen en la siguiente tabla:

Control	RNase P	Dianas S, E, RFlab	Resultado / Interpretación
Control Positivo	+	+	Resultado esperado
	-	-	Fallo en la configuración de la PCR <sup>1</sup>
Muestra ARN	+	+	Resultado esperado
	+	-	
	-	-	Fallo de amplificación de las muestras de ARN <sup>2</sup>
Control Negativo (NTC)	-	-	Resultado esperado
	+	+	Contaminación con muestras positivas o con el control positivo <sup>3</sup>

Tabla 7. Interpretación de posibles resultados obtenidos utilizando Imegen-SARS-CoV-2 Plus RNase P

(1) **Fallo en la configuración de la PCR:** Un error en la amplificación puede deberse a un problema técnico durante la configuración de la PCR.

Recomendación: verifique el programa de amplificación y la configuración de la detección de fluorescencia son correctos.

(2) **Fallo de amplificación de la muestra de ARN viral:** Un fallo de amplificación del control positivo interno (IPC) en la muestra de ARN podría sugerir que la cantidad o la calidad de la muestra de ARN está comprometida.

Recomendación: realice una segunda extracción y análisis, antes de proceder a la interpretación de los resultados.

(3) **Contaminación con muestras positivas o con el control positivo:** La contaminación de la PCR podría ser causada por un manejo inadecuado de la muestra, el uso de reactivos contaminados o por una contaminación ambiental, tanto con muestras positivas, como por el control positivo.

Recomendación: limpieza completa del laboratorio donde se preparan las PCR, incluido el equipo y el material utilizado. Si es necesario, use alícuotas nuevas de los reactivos de PCR y prepare finalmente las reacciones de PCR que contienen los controles positivos para evitar cualquier contaminación cruzada.

# 11 Limitaciones

## 10.1 | Equipos

Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P ha sido validado usando los siguientes termocicladores de PCR:

- + *7500 FAST Real-Time PCR System* (Thermo Fisher Scientific)
- + *QuantStudio 5 Real-Time PCR System* (Thermo Fisher Scientific)

Si usa otra marca o modelo de termocicladores, puede ser necesario ajustar el programa de amplificación. Por favor, contacte con nuestro servicio técnico para cualquier consulta o aclaración.

## 10.2 | Reactivos

El fabricante no se hace responsable del mal funcionamiento del ensayo si los reactivos incluidos en el kit son sustituidos por otros reactivos no suministrados por Health in Code.

## 10.3 | Estabilidad del producto

El kit Imegen® SARS-CoV-2 Plus RNase P es estable durante su vida útil, siempre que se aseguren las condiciones de almacenamiento especificadas en estas instrucciones.

Contacte con nuestro Departamento Técnico para cualquier consulta sobre las aplicaciones de este producto o sobre sus protocolos:

✉ [tech.support@healthincode.com](mailto:tech.support@healthincode.com)

☎ +34 963 212 340

# healthincode



Conoce todos nuestros  
kits de diagnóstico

